

## Descifrado el “código Ras”

**Madrid, 3 de febrero de 2012** – Investigadores del CNIO dirigidos por Alfonso Valencia identifican el código que capacita a los distintos miembros de la familia de proteínas Ras para reconocer proteínas específicas con las que interactúan y así realizar funciones precisas que en muchas ocasiones son importantes para las células cancerosas. El estudio se acaba de publicar en *Journal of Cell Biology*, y abre nuevas vías para el control de señales intracelulares.

Desde el descubrimiento de Ras como un oncogen por el Dr Barbacid en los ochenta los trabajos de numerosos laboratorios, incluyendo los del los Dres. Barbacid y Perucho, han demostrado la implicación de este oncogén en múltiples tipos de cáncer. Ras es el miembro fundador de una extensa familia de proteínas similares, todas ellas de enorme importancia biológica. En humanos hay un total de 165 proteínas similares a Ras y que forman la familia Ras. Entender qué distingue a cada miembro de esta familia y qué les confiere sus propiedades es esencial para poder diseñar fármacos dirigidos selectivamente contra un único miembro de la familia, y en especial para aquellos que son oncogénicos.

En el trabajo han participado otros investigadores del CNIO que actualmente trabajan en otros centros de investigación: Ana M. Rojas, actualmente Investigadora Principal del Instituto de Medicina Predictiva y Personalizada del Cáncer (Badalona), Gloria Fuentes, Investigadora en el Instituto de Bioinformática (A\*Star, Singapore) y Antonio Rausell recientemente incorporado al *Center for Systems Biomedicine* (Luxemburgo).

Puede acceder al artículo completo visitando la siguiente página web:  
<http://jcb.rupress.org/content/196/2/189.abstract>